

برنامج : التكنولوجيا

قسم : الوراثة والهندسة الوراثية

الحيوية الزراعية (وراثة)

المادة : البيولوجيا الجزيئية

الفرقة الثالثة

الفصل الدراسي الأول للعام الجامعي ٢٠١٤ / ٢٠١٥

الزمن : ساعتان

السؤال الأول : (٢٠ درجة) اجب عن نقطتين فقط :

(١) (يختلف اتجاه بناء الـ RNA في الكائنات غير مميزة النواة عن اتجاه بناء الـ RNA في الكائنات مميزة النواة

-) وضح هذه العبارة مع إلقاء الضوء على أنواع إنزيمات بلمرة الـ RNA ودور عوامل النسخ في هذا المجال.

(٢) ماذا تعرف عن : Isoschizomer enzymes - Restriction Enzymes

RM system (Methylation) – DNA Modifying enzymes

(٣) وضح أهمية العلاقة بين الجين والسترون في التراكيب الوراثية الحقيقية والكاذبة.

السؤال الثاني : (٢٠ درجة) أجب عن نقطتين فقط :

(١) قارن مع التوضيح بالرسم بين كل مما يأتي :

Excision Repair - Mismatch Repair -

Procaryotic & Eucaryotic ribosome.

(٢) ما هي طفرات التبدل (Missense (Substitution) mutation) وأنواعها المختلفة وتأثيرها على سلسلة

البيتيدات المترجمة.

(٣) وضح آلية تضاعف الـ DNA وكيفية تنظيم عمل الجين .

السؤال الثالث : (٢٠ درجة) أجب عن نقطتين فقط :

(١) تعتبر عمليتي النسخ والترجمة هما المسار الحقيقي لتكوين البروتين _ تناول هذه العبارة باختصار موضعاً تلك

الخطوات بالرسم التوضيحي.

(٢) ما علاقة نظرية الشوارد الحرة والسرطان - وهل هناك علاقة بين نوع السرطان والنسيج الذي ينشأ منه.

(٣) ما هي تقنية استبدال الجينات المستهدفة للتعرف على آلية عمل الجينات.

مع أطيب الأمنيات بالتوفيق

أ.د/محمد سراج الدين

نموذج إجابة استرشادي غير ملزم

إجابة السؤال الأول (٢٠ درجة):

(١) اتجاه البناء في جزئ ال RNA يتحدد باتجاه ارتباط السكر والفوسفات في الهيكل الاساسي للجزئ وهناك احتمالان فقط لاتجاه البناء في الر.ن.أ اما في اتجاه ٥-----٣ أو ٣----٥ فاذا كان النمو في الاتجاه الاول ٥---٣ فتكون النيوكليتيده الاولى في السلسلة محتوية على مجموعة ثلاثية من الفوسفات P-P-P واما اذا كانت السلسلة ستتمو في الاتجاه الاخر ٣-----٥ فتكون النيوكليتيده التي تنتهي بها السلسلة هي المحتوية على مجموعة فوسفات ثلاثية P-P-P واتضح بعد التأكد من التجارب أن الاحتمال الاول هو الصحيح .

بناء ال RNA في مميزة النواة عن طريق النسخ على درجة عالية من الانتقائية ويحدث الانتقاء على مستويين : الاول حدوث نسخ جزئ فقط لتتابعات معينه من DNA لانتاج mRNA الثاني بقاء نسبة صغيرة من هذه التتابعات قبل خروج ر.ن.أ النهائي الى السيتوبلازم

في غير مميزة النواة يعمل انزيم بلمرة ر.ن.أ لانتاج الانواع المختلفة من ال RNA بينما في مميزة النواة يوجد ثلاثة انواع مختلفة من انزيمات البلمرة : RNA polymerase I يختص ببناء السلاسل الطويلة الخاصة بجزئيات rRNA الثاني RNA polymerase II يختص بنسخ جزئيات mRNA الثالث انزيم بلمرة RNA polymerase III يقوم ببناء عدد من سلاسل ر.ن.أ القصيرة مثل tRNA ور.ن.أ الريبوسومي قصير السلسلة 5 SrRNA ولايد من وجود بعض البروتينات النوعية حتى ترتبط انزيمات البلمرة بتتابع الابداء .وعوامل النسخ لها دور رئيسي في الارتباط بالمستبدئ Promoter وتحفيزه على الدخول في عملية النسخ وهي ضرورية لبدء بناء ال RNA وتختلف عن عوامل بدء النسخ في غير مميزة النواة (عامل سيجما) في انها ترتبط بجزئ DNA مستقلة عن انزيم بلمرة RNA وهي ثلاثة عوامل نسخ مختلفة TF I,TF II,TFIII على الترتيب الخ ...

(٢) الإنزيمات المتناظرة Isoschizomers : قد تتشابه بعض الإنزيمات المعزولة من مصادر مختلفة إذ أنها

تتعرف على نفس أو تقطع في نفس الموقع يطلق على هذه الإنزيمات بالإنزيمات المتناظرة والتي تنقسم قسمين :
الأول أن تكون تامة التناظر مثل Hind II أو Has I حيث تقطع في نفس الموقع AIAGCTT أو تكون غير
تامة التناظر مثل الإنزيمين Xma I ,Sma حيث يتعرفان على نفس التتابع ولكنهما يقطعان في مواقع مختلفة
CICCGGG و CCCIGGG

إنزيمات القطع Restriction Enzymes تنتمي لمجموعة الاندونيوكليز Endonuclease التي تتعرف

على تتابعات خاصة موجودة في DNA المزدوج الخيوط وتعزل أساساً من Prokaryotes .

وتصنف الإنزيمات إلى ثلاث أنواع هي:

(١) الطرز الأول: هي عبارة عن إنزيمات لها تتابعات نيوكليدية متخصصة ، ولكن كسر DNA يكون غير متخصص
أى فى أماكن بعيدة عن التتابعات النيوكليدية مثل
E.co.A
E.Co.K

(٢) الطرز الثانى: يكون كسر DNA على مسافات بعيدة من هذه المواقع المتخصصة مثل Mbo1 .
وتحتاج هذه الإنزيمات (١,٣) إلى ATP (Adenin Tri Phosphate) ليساعدها فى عملية الكسر ، وتحتوى
على تتابعات لم تحدث بها عملية methylation الميثلة فى مستخلص DNA .
النوع الأول يكسر عشوائياً أما الثالث فيكسر فى مواقع متخصصة لكنها بعيدة عن التتابعات النيوكليدية .

(٣) الطرز الثالث: هي إنزيمات لها تتابعات نيوكليدية متخصصة ويكون كسر DNA فى حدود هذه التتابعات ، إذن
كسره غير عشوائى وتحتوى على نظام RS system restriction and modification .

تم عزل العديد من إنزيمات النوع الثانى حوالى ١٠٠٠ إنزيم وأغلبها يستخدم فى عملية Gene cloning ،
بعضها يكسر التتابعات النيوكليدية فى أربعة أزواج أو فى خمسة أزواج أو فى ستة أزواج ، فمثلاً إنزيم E.co.RI و
B am HI و hind III يكسر التتابعات السداسية .

الفروق الأساسية بين أنواع الإنزيمات

(١) أماكن قطع DNA .

(٢) تركيب البروتين مختلف .

(٣) الظروف المثلى لإتمام تفاعل أو عمل هذه الإنزيمات .

- Modification methylase (RM system): هي أن تحمي الخلية البكتيرية نفسها من إنزيمات القطع الموجودة بها عن طريق إنزيم الميثيليز حيث يقوم هذا الإنزيم بإضافة مجموعة ميثايل CH₃ لقواعد ازوتية محددة في التتابعات المتخصصة المعروفة وتكون في السيتوزين في الوضع (٥) وفي الادينين في الوضع (٦) والجوانين في الوضع (٧) وبذلك يهرب DNA الخلية من تأثير هذه الإنزيمات القاطعة. وتسمى هذه الخاصية بال RM-System.

DNA Modifying enzymes: هي مجموعة إنزيمية يتم التحوير فيها عن طريق إضافة أو إزالة مجاميع كيميائية خاصة وهي ثلاثة أنواع، Alkaline phosphatase وفيه يتم إزالة مجموعة الفوسفات الموجودة على الطرف ٥ ، kinase ويتم فيه إضافة مجموعة فوسفات على الطرف ٥ ، transferase وفيه يتم إضافة واحد أو أكثر من مجاميع Deoxy على الطرف ٣.

(٣) العلاقة بين الجين - السسترون في التراكيب الوراثية الحقيقية والكاذبة:

التكافؤ بين الجين - السسترون في الجينومات البسيطة

في التراكيب الوراثية الحقيقية (eu) والتراكيب الكاذبة (pro) هناك دائماً علاقة وثيقة بين الجين وإنتاجه ففي هذه الكائنات يتكافئ الجين مع السسترون . فالجين هو وحدة الوظيفة الوراثية وهو تعبير عن المعلومات الوراثية . ففي البكتريا يكون الجين هو المرادف لمنطقة الكود (الشكل القابل للقراءة) فهو مرادف للوحدات التي يمكن نسخها .

عدم التكامل بين الجين والسسترون في الجينومات المعقدة:

في الكائنات المتطورة للتراكيب الأولية هناك غالباً علاقة معقدة بين الجين وإنتاجه ، فمعظم التراكيب الوراثية المتطورة تشتمل على (الانترون) التي تتداخل متتالية أو متسلسلة والتي لا توجد في المنتج الن هائي وبالتالي ليس لها دور في وظيفة الجين . بينما يعتبر الجين الوحدة الرئيسية للإستساخ وربما يتداخل السسترون مع الانترون وعندئذ ينتشبه السسترون مع الإكسون في جينات التراكيب الوراثية الكاذبة (pro).

وتكامل أكثر يمكن الحصول عليه في جينات التراكيب الحقيقية حيث تستخدم المعلومات إختيارياً للحصول على منتجات عديدة وغالباً يمكن الحصول عليه بالإنقسام الإختياري الذي ربما يعكس التنظيم على مستوى RNA . أو التعبير الإختياري (البولي أدينايليثين) المستخدمه أثناء الإستساخ.

غالباً يتكون الجين من عديد من السلاسل الملتفة . والعكس يحدث عندما يتطلب الأمر (جينان) للحصول على منتج واحد حيث نوعين من رسائل RNA منفصلين تلتحم معاً وترجم .

وكل من الجينات المطلوبة لإنتاج وظيفه واحدة تعتبر جزء من السسترون . وهناك أيضاً حالات أخرى مثل البروتينات العديدة فإنها تشتق من الشكل المفرد الواحد .

هذه الإستراتيجية تستعمل بواسطة RNA فى بعض الفيروسات لمقابلة التكتل للسترومات الأحادية فى خلايا التراكيب الوراثية الكاذبة . ولكنها قد تحدث أيضاً فى بعض الجينات الأخرى فى الثدييات حيث جينات (الريبوديمورفين) تنتج سبع ببتيئات مختلفة ذات سبع وظائف مختلفة فى الم خ. والقطعة من الشكل المقروء المشتمل على الكود لكل ببتييد يمكن يصنف على أنه سسترون .

إجابة السؤال الثانى :

(١) Excision Repair الاصلاح بالاستبعاد هى عمليات انزيمية متعددة الخطوة الاولى تسمى incision

يتحكم فيه ثلاث جينات UVR A B C وهى تشفر لثلاث تحت وحدات منفصلة لانزيم UVR ABC nucleaseوالذى يقوم بازالة الجزء التالف من ال DNA عن طريق قطع السلسلة وهو لا يحتاج الى طاقة لانه اصلاح ظلامى

- Mismatch Repair ميكانيكية يتم فيها اصلاح ازواج القواعد التالفة (الغير متصله) والتي تهرب من الاصلاح وذلك بواسطة النشاط التصحيحي لـ DNA polymerase
- Prokaryotic and Eukaryotic ribosomes يقوم الطالب بالترقية بينهما وايضاح تحت وحداتهما على الرسم تفصيلىا .

(٢) طفرات التبدل missense (Substitution) mutation تتم عن طريق تبديل نيوكليوتيد معين من

الشريط مما يؤدي الى تغيير mRNA المنسوخ عنه وقد يؤدي الى تغيير حامض امينى واحد مما يؤدي الى تغيير خصائص البروتين الناتج من تجميع الاحماض الامينية والامثلة على ذلك مرض بروجيريا فى الانسان وهو لاينتقل من الباء للابناء لكن تحدث طفرة بالتبديل جينية خلال الحمل

وهذه الطفرات بالتبديل قد لاتحدث أى تأثير على سلسلة الببتيئات المترجمة من شريط ال mRNA وقد

تحدث تأثيرات جذرية على السلسلة وتنقسم الى أربعة أنواع : النوع الاول : طفرة تبديلية مؤثرة Effective

mutation وفيها يتم تبديل نيوكليوتيد C بالنيوكليوتيد G من ال DNA الاصلى مما يؤدي الى تغيير فى

الـ RNA المنسوخ -

النوع الثاني : الطفرة التبديلية المحايدة Neutral mutation وفيها يحدث تبديل في سلسلة الـ DNA نتج عنه تبديل حمض الجالايسين بحمض الالانين ونظرا لان الح مضمين غير قطبيين والفروق الكيميائية بينهما محدودة فلن يؤثر هذا التبديل وبالتالي تكون الطفرة غير مؤثرة ، النوع الثالث : الطفرة التبديلية الصامتة Silent mutation ويتم في هذا النوع تغيير نيوكليوتيدة باخرى تعطى نفس الشفرة الثلاثية تعطى نفس الحمض الاميني فهي لا تؤثر على سلسلة الاحماض الامينية اطلاقا لذا تسمى بالطفرة الصامتة - النوع الرابع الطفرة التبديلية المثبطة Nonsense mutation عبارة عن تغيرات في سلسلة الـ DNA ينتج عند نسخ الـ mRNA ومنها شفرة تمنع اتمام النسخ فينتج بروتين مثبط لا وظيفة له .

(٣) يتضاعف الحامض النووي بثلاثة طرق اساسية : الطريقة المحافظة والشبة محافظة والتشتتية الطريقة ,Conservative method , Semi conservative method and Dispersive method , الطريقة الاولى الناتج من هذا التضاعف يكون مماثل لتكوين الـ DNA الاصلى وفي الطريقة الثانية يكون النصف مماثل والنصف الاخر جديد وفي الطريقة التشتتية يكون الناتج مختلف تماما عن الطريقتين السابقتين _ على الطالب شرح هذه الطرق مع التوضيح والرسم.

كيفية تنظيم عمل الجين من خلال ثلاث نظم جينية حيث ان الجينات العاملة او الفاعلة Regulator genes تتحكم في فتح أو قفل عدد من الجينات التركيبية Structural genes والمسئولة عن انتاج انزيمات معينة تؤدي لتفاعلات بيوكيميائية في سلسلة من التفاعلات ينتج عنها ظاهرة فسيولوجية معينة وذلك عن طريق الجينات المنظمة والتي تفرز مثبط لعمل الـ Operator genes ويطلق على هذا المثبط القامع او الكابح وهو عبارة عن بروتينات تمنع الجين العامل من اتاحة الفرصة لعمل انزيم بلمرة الـ RNA وبالتالي لا يؤدي وظيفته ويتم التنشيط بطريقتين اما عن طريق منع انزيم بلمرة RNA من نسخ الـ DNA او عن طريق مادة ذات وزن جزيئى منخفض فتتمنع الكابح وبالتالي يصبح الجين الفعال حر فيترك الجينات التركيبية قادرة على العمل عن طريق انتاج انزيمات متخصصة عن طريق mRNA لتكوين البروتين ---- على الطالب توضيح ذلك بالرسم.

اجابة السؤال الثالث :

يقسم بناء البروتين إلي قسمين رئيسيين :

الأول: هو تخليق جزيئ من الـ RNA يعمل علي نقل الشفرة الوراثية من علي جزيئ الـ DNA إلي السيتوبلازم و يطلق علي هذه الخطوات اسم Transcription (النسخ).

الثاني: و فيه يتم استغلال هذا الحامض النووي للشفرة بعد انتقاله إلى سطح الريبوسومات بالاشتراك مع جزيئات أخرى من الـ RNA و مجموعة الأحماض الامينية Amino acids في تخليق السلاسل الببتيدية المختلفة و يطلق علي هذه الخطوة اسم Translation (الترجمة).

أولاً: DNA Transcription :

• يتم نسخ m-RNA في منطقة محددة من الـ DNA هي الجين الذي يحمل الشفرة الخاصة بإنتاج البروتين المعين المطلوب و يتم النسخ كالتالي:

أ- يتحرك إنزيم RNA Polymerase علي طول هذا الجزء من الـ DNA مسببا انفصال للجديلتين المكونين للـ DNA و تتم حركة الإنزيم في الاتجاه $3' \rightarrow 5'$ للخيط الغير مانح للشفرة Non sense strand و يتم بناء m-RNA علي الخيط المانح للشفرة و هو ذو الاتجاه $5' \rightarrow 3'$ و يتم بناء m-RNA في الاتجاه $3' \rightarrow 5'$ و يوجد في Eukaryotes ثلاثة أنواع مختلفة من إنزيمات RNA Polymerase تأخذ الأرقام I, II, III . إنزيم RNA Polymerase I موقعة في النوية و له علاقة بعملية تخليق r-RNA بينما إنزيمات RNA Polymerase II, III توجد في Nucleoplasm أي خارج النوية Nucleolus . إنزيم RNA Polymerase II له علاقة بنسخ الجينات التركيبية الموجودة بالنواة بينما إنزيم RNA Polymerase III يعمل علي نسخ الجينات التي لها علاقة بتخليق الجزيئات الصغيرة الموجودة في النواة من الـ RNA , t-RNA .

ب- تتجمع الريبونيوكلوتيدات الحرة Free ribonucleoside triphate الموجودة بالخلية علي خيط واحد فقط من حلزون الـ DNA و هو الخيط ذو الاتجاه $5' \rightarrow 3'$ مكونة أزواج عبارة عن نيوكليوتيدة حرة مع النيوكليوتيدة المكملة لها و الموجودة علي حلزون الـ DNA.

ج- بواسطة إنزيم RNA Polymerase يتم بلمرة النيوكليوتيدة في جزئ الـ RNA الجديد عن طريق اتحاد الريبونيوكلوتيدات الحرة مع بعضها بواسطة رابطة فوسفو داي استرية Phospho-diester linkage و بذلك يتكون قطعة صغيرة من Hybrid DNA – RNA و التي تتفصل بدورها عن حلزون الـ DNA و هذه القطعة تسمى m-RNA و الذي يكون ترتيب القواعد به مكملا لترتيب القواعد علي خيط الـ DNA المانع للشفرة مع العلم بان قاعدة اليوراسيل تحل محل قاعدة الثيمين في جزئ m-RNA و علي ذلك فإذا كان ترتيب القواعد علي جزئ DNA (Code) كما يلي: ATGCGGTACTTC فان ترتيب القواعد المكمل لها علي جزء (Codon) m-RNA تكون كالتالي: UACGCCAUGAAG .

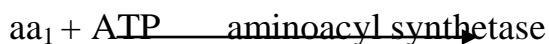
د- عند انفصال m-RNA عن DNA فانه يخرج خارج النواة من الثقوب النووية إلي السيتوبلازم ثم يعود الـ DNA للحالة الطبيعية مرة أخرى.

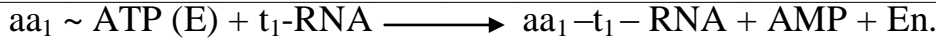
هـ- وجد أن عملية نسخ m-RNA لا تحدث علي كلا خيطي DNA و إنما علي خيط واحد فقط و وجد انه بدون وجود الخيط الآخر لا يمكن لعملية النسخ أن تتم و الخيط المشترك في عملية النسخ سمي بالخيط المانح للشفرة أي Logenic strand .

بانتهاء بناء m-RNA بما يحتويه من شفرات وراثية يفصل هذا الجزء متجها إلي سيتوبلازم الخلية و يرتبط بالريبوسومات و بإتمام هذه المهمة تنتهي المرحلة الأولى من تخليق البروتينات و يأتي بعد ذلك العمليات الحيوية التي يطلق عليها الترجمة و من أهم مهام تلك العملية هو توجيه الأحماض الامينية إلي سطح الريبوسومات و قد وجد أن الذي يقوم بهذه المهمة هو نوع آخر من الـ RNA يختلف عن r-RNA و كذلك m-RNA و قد أطلق علي هذا النوع الجديد اسم t-RNA و كان يطلق عليه سابقا Soluble RNA (s-RNA) و قد وجد أن لكل حامض اميني t-RNA خاص به يختلف من حيث التركيب و ترتيب القواعد من حامض اميني لآخر أي انه من المتوقع أن يكون هناك ٢٠ t-RNA علي الأقل في كل خلية كل منها خاص بحامض اميني بعينه و قد لوحظ أن اغلب t-RNA تكون صغيرة في وزنها الجزيئي و تتكون من ٧٠ - ٩٠ نيوكليوتيدة و يبلغ وزنها الجزيئي من ٢٠ - ٢٥ الف دالتون و قد أمكن التعرف بالتفصيل علي t-RNA الخاص بالحامض الاميني الانين في خلايا الخميرة.

هذا و تتم ترجمة المعلومات الوراثية الموجودة علي جزيئ m-RNA في الخطوات التالية:

١- تنشيط الأحماض الامينية Amino acid activation و يتم تنشيط الأحماض الامينية بواسطة تفاعلها علي Adenosine triphosphate (ATP) و ذلك باتحاد مجموعة الكربوكسيل الموجودة في الحامض الاميني مع ATP فينتج عن ذلك تكوين Pyrophosphate + aminoacyl adenylate و يتم هذا التفاعل في وجود إنزيم متخصص يسمي Aminoacyl synthetase و الذي يظل مرتبطا مع المركب المتكون ثم يقوم هذا الإنزيم بنقل المركب إلي جزيئ t-RNA حيث يصل هذا المركب مع آخر نيوكليوتيدة في t-RNA و هي من النوع Adenylic acid و بذلك يتكون مركب Adenosine monophosphate aminoacyl-t-RNA (AMP) و كذلك الإنزيم . و يتم تنشيط الحامض الاميني عن طريق ارتباطه بجزيئ ملئ بالطاقة قبل حدوث الارتباط بين الحامض الاميني و الادنين الموجود في النهاية 3' لـ t-RNA و المعادلة التالية توضح هذا التفاعل:





و من هنا يتضح أن المكونات الأساسية اللازمة لصناعة البروتين في الخلية هي m-RNA , t-RNA , amino acids, ribosomes , and aminoacyl synthetases . و بذلك يبقى السؤال كيف تعمل هذه المكونات علي إنتاج سلاسل بولي ببتيدية متخصصة Specific polypeptides إن كل حامض اميني له الإنزيم المنشط الخاص به و هناك بعض الأحماض الامينية يكون لكل منها أكثر من t-RNA حيث يكون لكل من هذه الأحماض أكثر من شفرة.

و يلاحظ من التفاعل السابق أن الإنزيم المنشط هو المسئول عن ربط الحامض الاميني علي t-RNA الخاص به و لذلك يفترض وجود مكانين مختلفين علي الإنزيم للارتباط و هما :
* مكان يتعرف علي المجموعة الجانبية (R) للحامض الاميني.
* المكان الآخر يتعرف علي t-RNA الخاص بهذا الحامض الاميني.

و بالمثل فان جزئ t-RNA له مكانان للتعرف و الارتباط احدهما للإنزيم المنشط الخاص به و الآخر يسمى مقابل الشفرة Anticodon الموجود علي m-RNA و هذا المكان الأخير عبارة عن ترتيب لثلاث نيوكليوتيدات .

٢ - الخطوة التالية بعد تكوين الأنواع المختلفة من Aminoacyl-t-RNA هي تخليق البروتين . و كما سبق القول فان m-RNA يتصل بالريبوسوم حيث يوجد بالريبوسوم موقعان احدهما يسمى موقع الأحماض الامينية Aminoacyl site (A) و في هذا الموقع من الريبوسوم يدخل فيه Aminoacyl-t-RNA بشرط أن يكون مقابل الشفرة لجزئ t-RNA مكمل للشفرة الموجودة علي m-RNA في هذا المكان أما الموقع الآخر فهو يسمى بالموقع (B) اي موقع السلسلة البولي ببتيدية و يتم تكوين السلسلة البولي ببتيدية كالاتي:

١- يرتبط Aminoacyl-t-RNA معين و ليكن Alanine-t-RNA بالموقع (A) بحيث يكون مقابل الشفرة Anticodon مكمل للكدون الموجود علي m-RNA .

ب- ترتبط مجموعة الأمين للحامض الاميني الالانين علي مجموعة الكربوكسيل الموجودة في نهاية الحامض الاميني تيروسين علي جزئ t-RNA (Tyr-t-RNA) و يتم هذا الارتباط في الموقع (B) بواسطة رابطة ببتيدية و يقوم إنزيم Peptide transferase بعمل هذه الرابطة.

ج- بعد تكوين الرابطة الببتيدية يخرج Tyr-t-RNA الموجود في الموقع (B) ثم يتحرك الريبوسوم علي m-RNA بمقدار شفرة واحدة بحيث تكون السلسلة البولي ببتيدية في الموقع (B) متصلة بال Ala-t-RNA بينما الموقع (A) يكون خاليا حيث يتصل به Aminoacyl-t-RNA التالي حسب ترتيب الشفرات علي m-RNA و هو

Methionine-t-RNA بحيث يكون مقابل الشفرة علي t-RNA مكملًا للشفرة الموجودة علي m-RNA ثم يتصل الحامض الاميني مع آخر حامض اميني موجود في الموقع (B) .

د- و هكذا تتوالي عملية السلسلة البولي ببتيدية و في كل مرة يضاف حامض اميني جديد للسلسلة . عندما تم عزل البروتين من خلايا *E. coli* و اختباره وجد فقط حوالي ٤٥% منه به النهاية N-terminal methionine بينما معظمه كان به النهاية N-formyl methionine و لقد أوضحت التجارب التي أجراها كل من James Watson and Zinder في معاملهم أن Formyl groups يتم إزالتها من السلاسل البولي ببتيدية بعد عملية الترجمة.

ه- كل خيط من m-RNA يرتبط بحوالي ٥ ريبوسومات أو أكثر و يتوقف ذلك علي حجم سلسلة m-RNA مكونا بذلك Polyribosomes و هذا يؤدي إلي أن الخيط الواحد من m-RNA يخلق أكثر من جزئ من البروتين في نفس الوقت مما يؤدي بذلك إلي زيادة كفاءة الخلية في صناعة البروتين حيث أن كل ريبوسوم علي m-RNA يكون سلسلة بولي ببتيدية بعكس لو كان ريبوسوم واحد متصل بالـ m-RNA .

و بذلك فان دخول الأحماض الامينية الاخرى للريبوسوم يتم بترتيب الشفرات علي جزئ m-RNA و الشكل السابق يوضح Polyribosome حيث يتصل m-RNA بأكثر من ريبوسوم مما يزيد بالتالي من كفاءة الخلية في تخليق البروتين.

(٢) : يختلف نوع السرطان حسب نوع النسيج والخلية التي ينشأ منها فقد ينشأ من خلايا أنسجة طلائية

فيسمى أورام سرطانية كارسينوما Carcinoma ومنها سرطان الرئة والثدي والقولون والكبد ويمثل هذا النوع حوالي ٩٠% من مجموع الأورام السرطانية التي تصيب الإنسان - وقد ينشأ السرطان من خلايا أنسجة ضامه فيسمى ساركوما Sarcoma أو ينشأ من الخلايا الأساسية لخلايا الدم المختلفة أو النظم المناعية ومنها سرطان الدم (اللوكيميا) أو السرطان الليمفاوي . دور الهندسة الوراثية في علاج السرطان في إمكانية تصنيع الجين بالتسلسل الطبيعي الذي يثبط ويمنع تكوين الأورام وحقنة في الإنسان ا لذي إصابة المرض الخبيث حيث اثبت العلماء أن الجين P53 يثبط الخلايا السرطانية ويمنع الانقسام العشوائي للحامض النووي وبالتالي يمنع تكوين الاورام وانتشارها ولقد بدأ بالفعل تجريب العلاج بهذه الطريقة وهناك طريقة أخرى لمحاولة العلاج عن طريق تصحيح التسلسل الذي حدث للأحماض الامينية في جين P53 ليستعيد وظيفته القديمة قبل أن تحدث له الطفرة وهناك محاولات أخرى لعمل مصل واق او تطعيم من خلال معرفة تسلسل الحامض النووي في هذا الجين المعيب حتى لا يحدث ما يحدثه من تدمير وانقسام عشوائي يؤدي إلى تكوين الأورام السرطانية .ويجب التركيز على ألا يحدث خطأ أثناء عملية النسخ حتى لا يساعد ذلك على انتشار المرض وان كان اكتشاف الإنزيم DNA

اي خطأ يحدث فيها.

وللهندسة الوراثية دور فعال في علاج السرطان عن طريق نظرية الشوارد الحرة وهي

ذرات الأكسجين الطليقة الحرة الموجودة في الخلية بصورة منفردة مما يؤثر على خلايا الجهاز المناعي ويقلل من كفاءته وكذلك فان هذه الذرات الطليقة من الأكسجين تدمر الحامض النووي للخلية وتحدث بة ك ثيرا من الطفرات ويفضل استخدام موانع الأكسدة لكي تمنع وجود الأكسجين بصورة حرة داخل الخلية حيث يجب أن يكون بصورة مزدوجة وتعتمد هذه النظرية على ان احتراق الغذاء وتوليد الطاقة ينتج عنها ذرات حرة ومنفردة من الاكسجين يؤثر على خلايا الجهاز المناعي في الا انسان لذلك يجب التخلص من هذه الذرات المنفردة باستخدام موانع الاكسدة مثل الفيتامينات وغيرها (يستكمل الطالب هذه النظرية)

وقد كان للهندسة الوراثية دور أو محاولة في علاج السرطان- و هو:

أ- صناعة جينات مثبطة للأورام بالتسلسل الطبيعي الذي يثبط ويمنع تكوين الأورام وحفنة في الإنسان الذي إصابة الورم الخبيث

ب- تصحيح التسلسل الذي يحدث للأحماض الامينية ليستعيد هذا الجين نشاطه الطبيعي

- ويذكر الطالب أنه في عام ١٩٩٥ تم اكتشاف إنزيم إصلاح ال DNA والذي يستطيع أن ينسخ ويراجع ثلاثة مليارات نسخة من قواعد الأحماض الامينية دون حدوث خطأ واحد.

(٣) ما هي تقنية استبدال الجينات المستهدفة للتعرف على آلية عمل الجينات :

تتم هذه التقنية لدراسة الية عمل الجينات وفيه يتم استحداث لطفرة واستبدالها بجين سليم (سوى) داخل احدى الخلايا الجذعية المشتقة من الجنين من اجنة الفئران ثم ادخالها في خلايا جنين الفار فتكون بذلك اجنة معطلة الجين المستهدف Knocked out فاذا ادى ذلك الى احداث تشوة في مخ الفأر كان ذلك دليل على مسئولية هذا الجين عن تكوين المخ - وقد استخدمت هذه التقنية في مشروع الجينوم البشرى لكشف اسرار الجينات المسؤولة عن الامراض الوراثية . على الطالب استكمال شرح الطريقة بالتفصيل .

مع خالص الأمنيات

أ.د/محمد سراج الدين عبد الصبور